関西医科大学 生物

2019年1月26日実施

Ι

- (1) 46 分子
- (2) $D \cdot A \cdot E$
- (3) $A \cdot C$
- (4) $D \cdot C \cdot B$
- (5) $B \cdot C \cdot E$
- $D \cdot E \cdot F$ (6)
- $A \cdot D \cdot E$ (7)
- $C \cdot D \cdot F$ (8)

[解説]

- 「染色体 1 本=DNA1 分子」なので、DNA 複製前の「G₁期の染色体数=DNA の分子数」は 46 (1) 注:化学では「DNAの1本鎖=DNA1分子」と考えるが、生物では通常「DNA2本鎖=DNA1分子」と考える。
- (2) D (森林) \rightarrow B (海洋) \rightarrow A (草原) \rightarrow C (農耕地) \rightarrow E (湖・沼・河川・湿地)
- 「共生」を異種間の相互作用の分類と考えると、Bは共生には含まれない。Dは被食ー捕食、Eは寄生である。
- (4) F (外胚葉と内胚葉の分化: 二胚葉動物) → D (中胚葉の形成: 三胚葉動物)
 - → A (原口とは別の部位での口の形成:新口動物) → C (脊索の形成:脊索動物)
 - → E (羊膜の形成:有羊膜類) → B (胎盤の形成:胎生の哺乳類)
- (5) B (シダ植物の出現:シルル紀) $\rightarrow D$ (両生類の出現:デボン紀) $\rightarrow C$ (三葉虫の絶滅:ペルム紀)
 - → A (アンモナイトの繁栄:ジュラ紀) → E (被子植物の出現:白亜紀)
- (6) 免疫グロブリンは体液中に含まれる。よって、A血液、B血しょう、C、血清、Gリンパ液を除外すればよい。
- (7) 肝臓で「作る」という中に「合成」だけでなく「生成」も含めて考えると、グリコーゲンの分解によって生じるグルコース も解答に含まれる。

\prod

問 1 グリセリン

問 2

- (1) 7 分子
- (2) 8 分子
- (3) 10 分子
- (4) 106 分子
- 問 3 0.696
- 問 4 1 • 2 • 5 • 6

[解説]

問 2 (1)・(2) β 酸化は、① FADH2の合成、② H2Oの付加、③ NADHの合成、④ アセチル CoAの合成、の 4 段階からなる。 パルミチン酸の炭素 16 個からなる炭素鎖は、炭素 2 個ずつ、7 カ所で切断される。

切断 1 カ所につき $FADH_2$ と NADH が各 1 分子ずつ生じるので、 $FADH_2$ と NADH は全部で各 7 分子ずつ生じる。 炭素鎖が 7 カ所で切断されるのでアセチル CoA は 8 分子できる。

*下のように、最後のβ酸化 (7回目) ではアセチル CoA (CH₃COS-CoA) が 2 分子生じることになる。

```
C_{15}H_{31}COS-CoA \downarrow \beta 酸化 1 回目 C_{13}H_{27}COS-CoA + CH_{2}COS-CoA + FADH_{2} + NADH \downarrow \beta 酸化 2 回目 C_{11}H_{23}COS-CoA + CH_{3}COS-CoA + FADH_{2} + NADH \downarrow \beta 酸化 3 回目 C_{9}H_{19}COS-CoA + CH_{3}COS-CoA + FADH_{2} + NADH \downarrow \beta 酸化 4 回目 C_{7}H_{15}COS-CoA + CH_{3}COS-CoA + FADH_{2} + NADH \downarrow \beta 酸化 5 回目 C_{5}H_{11}COS-CoA + CH_{3}COS-CoA + FADH_{2} + NADH \downarrow \beta 酸化 6 回目 C_{3}H_{7}COS-CoA + CH_{3}COS-CoA + CH_{3}COS-COA
```

- (3) 1分子のアセチル CoA がクエン酸回路に投入されると、3分子の NADH と 1分子の FADH₂、1分子の ATP が生じる。 NADH と FADH₂は電子伝達系で ATP 合成に用いられる。 \Rightarrow 3×2.5 + 1×1.5 + 1 = 10 ATP
- (4) 1分子のパルミチン酸から、8分子のアセチル CoA、7分子の NADH、7分子の FADH2 が生じる。 また、 β 酸化の前にパルミチン酸を活性化する際、1分子の ATP から AMP ができて 2分子の ATP が消費される。 \Rightarrow 8×10+7×2.5+7×1.5-2=106 ATP
- 問 3 $C_{15}H_{31}COOH + 23O_2 \rightarrow 16CO_2 + 16H_2O$ $16 \div 23 = 0.6956... \Rightarrow 0.696$

Ш

問1 あ:アセチルコリン い:T管 う:カルシウムイオン

え:トロポニン お:トロポミオシン

問 2 2 · 4 · 7

間 3 1 · 4 · 5

問 4

- (2) 1.20 [μ m]

問 5

- (1) あ:呼吸 い:解糖
- (2) 5
- (3) B 理由:解糖で発生した乳酸によって pH が低下するため。

〔解説〕

- 問3 弛緩には筋細胞の細胞質基質にある Ca^{2+} が筋小胞体に回収される必要があるが、 Ca^{2+} の回収は ATP を用いるカルシウムポンプによって行われるため、1 は誤り。
- 間4 アクチンフィラメントを \mathbf{x} [μ m], ミオシンフィラメントを \mathbf{y} [μ m] とすると、図より $2\mathbf{x}$ =2.1, $2\mathbf{x}$ + \mathbf{y} =3.8 が成り立つので、 \mathbf{x} =1.05 [μ m], \mathbf{y} =1.70 [μ m] となる。また、張力 60%のときのサルコメアの長さは図より 2.9 [μ m] である。サルコメア=明帯+暗帯であり、暗帯の幅はミオシンフィラメントの長さに等しいので 2.9=明帯+1.7 より明帯=1.2 [μ m] となる。

IV

問 1

- (1) $\mathbf{C} \cdot \mathbf{E} \cdot \mathbf{B}$
- (2) カ・エ・オ
- (3) 1024 分子

問 2

- (1) +
- (2) $4 \cdot 5 \cdot 6$
- (3) 3 4
- (4) ゲノム DNA 上にプライマーの塩基配列と相補的な配列が複数存在する可能性があるため。

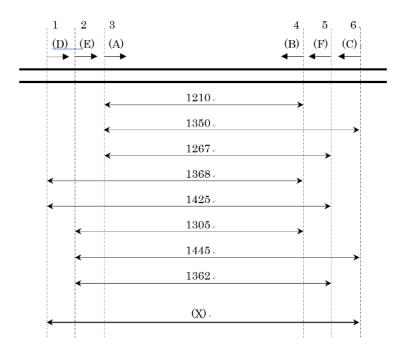
問 3

- (1) B:4 D:1 F:5
- (2) 1508
- (3) 1 5

〔解説〕

問 1 (3) 210=1024

- 問2 (2) 問2のリード文に「プライマー1~3の中から1つ,4~6の中からもう1つを選んで組み合わせると、どの組み合わせでも目的領域を含んだ部分が増幅される」と書いてあるので、1、2、3は同一方向、4、5、6は別の同一方向であることがわかる。プライマーは鋳型鎖の3'側に相補的な配列を準備するので、アの鎖に結合するものは4、5、6である。
- 問3 表の内容をまとめると次のようになる。



V

問1 ア:外胚葉 ウ:内胚葉

問 2 C

間 3 B

間4 細胞外に分泌され、実験に用いた膜にある穴を通過できる。

問 5 e·f·c·b

問 6 図 2B の状態では、神経誘導に関わる物質が存在しなかったため。

問7 図2Bの状態のアニマルキャップに神経誘導物質を与え、神経に分化するかどうかを確かめる。

[解説]

問 5 e (受容体) \rightarrow f (転写調節タンパク質) \rightarrow c (RNA ポリメラーゼ) \rightarrow b (リボソーム)

問6・問7

本来は発生の時期についての詳細な分析・検討が必要であるが、解答を1行でまとめなくてはならないことを考慮し、解答例では発生の時期を問題文で与えられた図 2B の前期胞胚に限定している。

講評

 \boxed{I} [小問集合] (難) 小問の数が $10\rightarrow 8$ と減ったものの、かなり細かい知識を問う設問が含まれているのは 例年通り。

Ⅱ [脂肪の代謝](難)問2の(1)で間違えると、(2)と(4)も連鎖的に間違いとなってしまう上に、図の読み取りや計算の手順で見落としがあると正解にならない設問が多く、得点しにくい。

| Ⅲ | [筋収縮](標準)オーソドックスな問題。ここでしっかりと得点しておきたい。

IV [PCR 法] (標準) 典型題ではないが,リード文を丁寧に読んで,条件をきちんと整理できれば解ける。

V [発生] (標準) 問われている知識自体はオーソドックスなので、設問の形式に合わせたアウトプットができたかどうかで点差がついただろう。

昨年はかなり難しかったので、それと比べると易化した印象。目標は 65%。60%でも他科目の出来次第では十分に勝負できるのではないだろうか。



〒540-0033 大阪市中央区石町2-3-12 ベルヴォア天満橋

0120-146-156

https://www.mebio.co.jp/

